PCT/FR00/01887

## SEQUENCE LISTING

111) INST	TAN TUTIT	ONAL	DE	LΑ	SANTE	EΤ	DE	LΑ	RECHERCHE	MEDICALE
[NATIONAL	INSTITUT	E FOR	HEA	LTH	AND	MEDI	CAL	R	ESEARCH]-	INSERM

<:1.1) · D18210</pre>

::130 • Use of the Krit1 gene in the field of angiogenesis

4.140 +

<141 •

<160 - 51

<170 - FatentIn Vers. 2.0</pre>

<210 % 1

<211 - 18

<211. + ENA

<213 - Artificial Sequence</pre>

< 1000

<2223 - Jense primer

<400 - 1

gaginggataa aaactaat 18

<210 - 1

<111 - 18
<111 - DNA
- D13 - Artificial Sequence</pre>

<0.00 u ·

<1.23 + Reverse primer</pre>

<400 - 2

gagstasaat toattoaa 18

K210 - 3

%211 - 18
%D13 - DNA
%D13 - Artificial Sequence

.220

\*223 · Sense primer

-4000 B

getertaatg ggtttttg 18

4

4.3110-18

..... DNA

\*113> Artificial Sequence

< 1000000

<223> Feverse primer

18

<4000-9

<2100 10 <2110 18

atgraatgcc tttttcc

:21.3 · DNA ·:213 · Artificial Sequence	
-:2:3 - Faverse primer	
+40)+ 10 algorigget chaactat	18
+C210 + 11 +C11 + 13 +C11C DNA +C11c Artificial Sequence	
Higher Sense primer	
<400 - 11 tigttagatt gtgatgta	18
HOLLS 10 HOLLS 10 HOLD FINA HOLD Artificial Sequence	
<pre>%210 % %213 * Feverse primer</pre>	
0400 x 10 ascataataa aaacttto	18
<pre> <pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre>	
<pre><pre><pre><pre><pre></pre></pre></pre></pre><pre><pre></pre></pre></pre>	
<pre>&lt;400 &gt; 13 titataaaag gaatgatg</pre>	18
#210 + 14 #2211 + 18 #2217 > DNA #2213 - Artificial Sequence	
H223 Reverse primer	
+1400 + 14 tomaotomaa commatom	18
+2.100+ 15 +2.110+ 18 +2.110+ DNA +2.110+ Artificial Sequence	
<pre>&lt;0000&gt; <ccccccccccccccccccccccccccccccc< td=""><td></td></ccccccccccccccccccccccccccccccc<></pre>	

10 01/02001	101/1800/0188
<pre>&lt;4)^n 15 tgt%:cotaa taaccaaa</pre>	18
H210 - 16 H211 - 18 H212 - H3A H313 - Artificial Sequence	
<pre>*MARR + *MARR + Reverse primer</pre>	
राप्ति । 16 sycataguae aagadeat	18
<pre>% 1</pre>	
-020	
स्पूर्ण - 17 gatawaghth thaatatg	18
+1.10 + 18 +1.11 + 181A +1.11 + 181A +1.11 + Artificial Sequence	
<pre>%Clos %Clos %Clos Feverse primer</pre>	
<400 · 18 castagttta tgaagtoo	18
<pre><cli><cli><li><li><li><li><li><li><li><li><li>&lt;</li></li></li></li></li></li></li></li></li></cli></cli></pre>	
<pre>*CDL + \$CDB + Sonse primer</pre>	
रावण्ड - 10 atatitadaa aggdaagd	18
<pre>&lt; 010 + 20 &lt; 011 * 18 &lt; 012 + DNA &lt; 013 - Artificial Sequence</pre>	
4010 4013 - Reverse primer	
<400 - 30 tgacatgatt ggtaaaaa	18
<pre><pre><pre><pre><pre><pre><pre><pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre></pre>	

PCT/FR00/01887

WO 01/02604

· FIRS INA	
·.ly·Artificial Sequence	
- 224 A	
: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::	
+400 + 21	
tagtacettt tootttoa	18
+210 + 22	
- 111 - 15	
<pre>% Cl. * :NA **:The Artificial Sequence</pre>	
· Diff. · Lair · Feverse primer	
kapon 12 Setteatgatt getgggge	18
	10
+ 2004	
+ 212 + SHA	
- DIB - Artificial Sequence	
+228+	
WIDBY Sense primer	
+400× 13	
gutgaaustt ttaatatg	18
K210% 24	
+211+ 15 +212+ CNA	
·11: · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
- 00 0 A	
6003% Reverse primer	
+460×14	
maatagtita tgaagtoo	18
+ 210 + 18	
H2118 18	
+ C1C + ENA	
Artificial Sequence	
H2208	
VIII - Sense primer	
9400 + 25	
aatajatagg gaactgoo	18
F0.10 × 26	
+111 + 16	
+111 / INA +111 / Artificial Sequence	
<pre></pre>	

- 6 -

PCT/FR00/01887

WO 01/02604

WO 01/02604	- 7 -	PCT/FR00/01887
-213 - Homo sapiens		
-40: - E: -49-martag ggaacgacag		20
- 2100- 34 - 2110- 30 - 2120- 2MA - 21-5 Humb sapiens		
-4005-34 Stgcatgotg gtaaatggaa		20
<pre>&gt;210&gt; 75 &gt;211&gt; 20 &gt;210&gt; 20A &gt;210&gt; 20DA</pre>		
+4005 35 ttttstadag gtatggaaaa		<u>.</u> 0
+ 010 + 30 + 011 + 00 + 010 + PMA		
+ 217 - Homo sapiens		
-400 - 36 Gacqgataga gtaagttatt		20
+ 2100+ 30 + 211 > 20 + 210 > DNA		
-213% Homo sapiens -4400% 37		
abatttotag catataacag		.:0
+210% 38 +211% 20 +212% EMA +213% Homo sapiens		
+ 4005 3-		
taacaaacca gtaagaatta		∴0
+ 210 + 20 + 211 + 20 + 21.0 = DNA		
-213: Homo sapiens		
· (00 · 30		~n

tttcttgrag tatgaaaaag

gaaaacctca gtaagaaagt

+ 210 + 40 + 211 + 20 + 212 + FMA + 213 + Hamo sapiens

4.40(ib 4:1

.~ O

20

## - 8 -

+07100+41 +0.110+20 +00100+DNA +00100+Homb	sapiens	
d40000 41 tqtiittbag	goottoaast	20
+1010% 40 +1011 + 20 +1010% PNA +1010% Hamp	sapiens	
-140mi- 4.1 1.⊈aababiag	gtttgcttgg	20
+1210+ 43 +1211+ 20 +1211+ ENA +1212+ Homo	sariens	
-04000-43 -mocritiaag	attgaagacc	20
<pre><il100 20="" 44="" <il110="" <ll="" ena=""><li>&lt;210 Home</li></il100></pre>	sariens	
P4905 44 dtttcct4aa	gtaagtattt	20
#210: 45 #211: 20 #212: DNA #213: Hemo	saviens	
+400x 45	tgaagaaaat	20
-010-46 -011-00 -010-00A		
+1213 - Homo +1400 - 46	sapiens	
ngaatadaag FIID: 47	gtaagctgtt	20
+2110+20 +2110+FNA +2113+Homo	sariens	
H430 - 47 htgt/tt/ag	aatctcagta	20
+210 + 48 +211 + 20 +212 + DMA +213 + Homo	sapiens	

- 9 -

PCT/FR00/01887

20

WO 01/02604

<:400: 51

tactttgtag gctctggtcg